

Avances en el desarrollo de una vacuna efectiva contra *Cryptosporidium parvum*: una revisión de la literatura

David R Salamanca¹; Jessica S Molina-Franky¹; Anny J Camargo-Mancipe¹;
Alida M Gómez-Rodríguez¹

RESUMEN

Introducción. *Cryptosporidium parvum* es un parásito zoonótico altamente prevalente, asociado a enfermedad diarreica en población inmunocomprometida, niños y terneros menores de 30 días. Esta infección puede ocasionar deshidratación, alteración del estado de conciencia, retraso en el desarrollo global y, en algunos casos, la muerte del paciente. A pesar de la alta prevalencia de *C. parvum*, no existen medicamentos completamente efectivos ni una vacuna aprobada para prevenir dicha enfermedad.

Objetivo. Realizar una revisión de la literatura sobre candidatos vacunales contra *C. parvum*.

Método. Revisión documental mediante la búsqueda de la literatura de los últimos 20 años, disponible en las bases de datos PubMed central, WEB OF SCIENCE, Embase, REDALYC y LILACS.

Resultados. Las vacunas atenuadas, recombinantes, basadas en ADN, expresadas en vectores bacterianos y sintéticas han mostrado resultados prometedores en la inducción de inmunogenicidad contra los antígenos de *C. parvum*, siendo el antígeno de superficie de 15 kilodaltons de *Cryptosporidium parvum* (cp15), el antígeno inductor de una mejor respuesta inmune celular y humoral en el modelo murino estudiado.

Conclusión. Se espera que la incorporación de nuevas técnicas para la selección de antígenos promisorios y la ejecución de una gran cantidad de ensayos in vivo, favorezcan el desarrollo de una vacuna totalmente efectiva contra *C. parvum*. Aunque el camino para lograr este objetivo será largo y difícil, se convierte en la mejor alternativa para controlar una de las enfermedades de interés en salud pública, con mayor impacto en la población inmunocomprometida.

Palabras clave: *Cryptosporidium parvum*, vacunas sintéticas, vacunas de ADN, inmunogenicidad vacunal, antígeno CP15.

¹ Universidad de Boyacá, Tunja, Boyacá.

Correspondencia: David Ricardo Salamanca. Dirección Carrera 2ª este N° 64-169. Tunja.

Celular: 3132423136.

Correo electrónico: drsalamanca@uniboyaca.edu.co

Citar este artículo así:

Salamanca DR, Molina-Franky JS, Camargo-Mancipe AJ, Gómez-Rodríguez AM. Avances en el desarrollo de una vacuna efectiva contra *Cryptosporidium parvum*: una revisión de la literatura. Revista Investig Salud Univ Boyacá. 2020;7(1): 118-136. doi: <https://doi.org/10.24267/23897325.373>

Advances in the development of an effective vaccine against *Cryptosporidium parvum*: An review of the literature

ABSTRACT

Introduction. *Cryptosporidium parvum* is a highly prevalent zoonotic parasite, associated with diarrheal disease in immunocompromised population, children and calves under 30 days. This infection is associated to dehydration, delayed global development and, in some cases, the death of the patient. Despite the high prevalence of *C. parvum*, there are no fully effective medications and an approved vaccine to prevent such disease.

Objective. To conduct a thorough review of the literature on vaccine candidates against *C. parvum*.
Method Documentary review by searching the literature of the last 20 years, available in the central PubMed, WEB OF SCIENCE, Embase, REDALYC and LILACS databases.

Results. Attenuated, recombinant, DNA-based, expressed in bacterial vectors and synthetic vaccines have shown promising results in inducing immunogenicity against *C. parvum*, being the *Cryptosporidium parvum* 15 kiloDalton surface antigen (cp15), the antigen inducer of a better cellular and humoral immune response in the murine model studied.

Conclusion. It is expected that the incorporation of new techniques for the selection of promising antigens and the execution of a large number of in vivo assays will favor the development of a fully effective vaccine against *C. parvum*. Although the way to achieve this goal will be long and difficult, it will become the best alternative to control one of the diseases with the greatest impact on the immunocompromised population.

Key words: *Cryptosporidium parvum*, vaccines, synthetic, vaccines, DNA, vaccines, subunit, immunogenicity, vaccine, CP15 protein.

Avanços no desenvolvimento de uma vacina eficaz contra *Cryptosporidium parvum*: uma revisão da literatura

RESUMO

Introdução. O *Cryptosporidium parvum* é um parasita zoonótico de alta prevalência associado à doença diarreica em populações imunocomprometidas, crianças e bezerros com menos de 30 dias. Essa infecção pode causar desidratação, alteração do estado de consciência, atraso no desenvolvimento global e, em alguns casos, a morte do paciente. Apesar da alta prevalência de *C. parvum*, não existem medicamentos totalmente eficazes e uma vacina aprovada para prevenir a doença.

Objetivo. Realizar uma revisão literária dos candidatos à vacina contra *C. parvum*.

Método. Revisão documental, mediante pesquisa da literatura dos últimos 20 anos, disponível nas bases de dados PubMed central, WEB OF SCIENCE, Embase, REDALYC e LILACS.

Resultados. Vacinas atenuadas, recombinantes e baseadas em DNA, expressas em vetores bacterianos e sintéticos, mostraram resultados promissores na indução de imunogenicidade contra antígenos de *C. parvum*, sendo o antígeno de superfície de 15 kilodaltons de *Cryptosporidium parvum* (cp15) o antígeno indutor de uma melhor resposta imune celular e humoral no modelo murino estudado.

Conclusão. Se espera que a incorporação de novas técnicas para a seleção de antígenos promissores e a execução de um grande número de ensaios in vivo favoreçam o desenvolvimento de uma vacina totalmente eficaz contra *C. parvum*. Embora o caminho para alcançar este objetivo seja longo e difícil, torna-se a melhor alternativa para controlar uma das doenças de interesse na saúde pública com maior impacto na população imunocomprometida.

Palavras-chave: *Cryptosporidium parvum*, vacinas sintéticas, vacinas de DNA, imunogenicidade da vacina, antígeno CP15.

INTRODUCCIÓN

Según la Organización Mundial de la Salud (OMS), la enfermedad diarreica representa aproximadamente el 10,5% de los 8 millones de muertes que se registran anualmente, a nivel mundial, en niños menores de 5 años. En orden de frecuencia, la enfermedad diarreica es ocasionada principalmente por rotavirus, *Cryptosporidium* spp., *Shigella* y *Escherichia coli* enterotoxigénica (1). De los anteriores, *Cryptosporidium* spp. es el único agente etiológico para el cual no se dispone de vacuna, ni de un tratamiento totalmente efectivo (1,2).

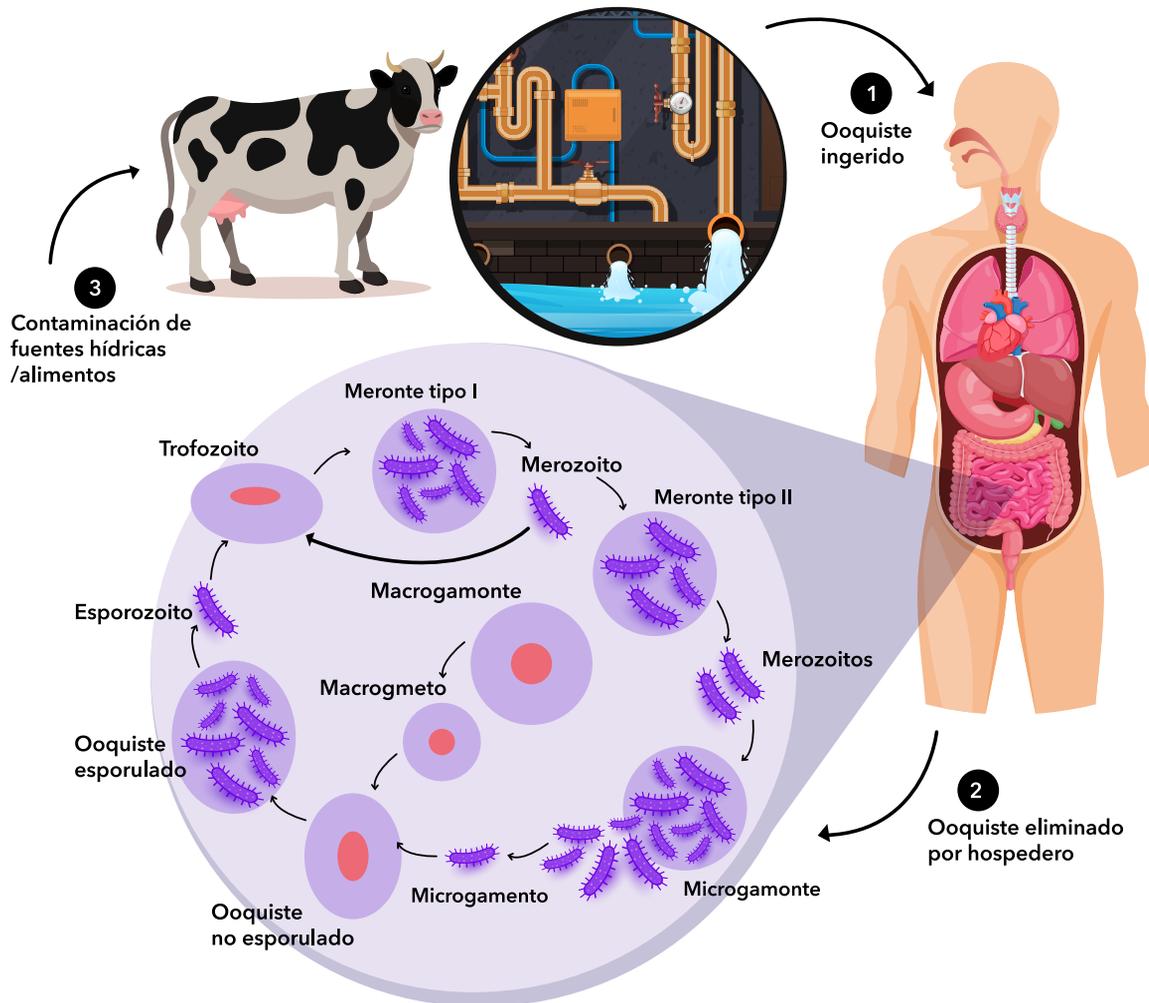
Cryptosporidium parvum es un protozoo intracelular zoonótico perteneciente al phylum Apicomplexa que afecta diversas especies animales, especialmente bovinos menores de 30 días (3,4), población humana inmunocomprometida, como pacientes con SIDA o cáncer y también población infantil menor de 5 años (5,6).

Los ooquistes de *Cryptosporidium* spp. son pequeños, miden entre 4 a 6 μm de diámetro y tienen una forma esférica-ovoide. El ciclo de vida de *Cryptosporidium* se completa dentro de un solo hospedero, presentando dos fases: sexual y asexual, para lo cual se llevan a cabo las siguientes seis etapas de desarrollo: 1) desenquistamiento (liberación de los esporozoítos), 2) merogonia, 3) gametogonia, 4) fertilización y desarrollo del cigoto, 5) la formación de paredes de ooquistes ambientalmente resistentes y 6) la esporogonia (7,8).

Existe una amplia gama de mecanismos de transmisión para este patógeno, ya sea por la ingesta de ooquistes a través del contacto con objetos previamente expuestos a materia fecal, o por el consumo de alimentos y agua contaminada (9,10). Cada ooquiste contiene cuatro esporozoítos, estos ooquistes son ambientalmente estables, capaces de sobrevivir al tratamiento rutinario de aguas residuales y resistentes a la inactivación con desinfectantes comúnmente utilizados para potabilizar el agua (2).

Una vez ingeridos los ooquistes, en el intestino delgado (íleon) se produce el desenquistamiento que da lugar a la liberación cuatro esporozoítos, los cuales buscarán invadir a los enterocitos. Los esporozoítos se fijan a la superficie luminal de los enterocitos y se diferencian asexualmente en trofozoítos que producen dos tipos diferentes de merontes por merogonia (11). Los merontes tipo I producen ocho merozoítos que invaden las células epiteliales vecinas y se convierten en merontes tipo II o completan otro ciclo de merontes tipo I. Los merontes tipo II producen cuatro merozoítos dando lugar a los gamontes (microgametos o macrogametos) (12). La fertilización entre gamontes produce la formación de un cigoto que se convierte en un ooquiste que es excretado en las heces(13) (Imagen 1).

Imagen 1. Ciclo de vida de *C. parvum*. (1) El ooquiste es ingerido por el hospedero a partir de agua o alimentos contaminados. Al ingresar al tracto gastrointestinal, cada ooquiste libera 4 esporozoítos que infectan las células epiteliales y maduran dando lugar a las formas parasitarias de trofozoito, merontes tipo I y II, microgametos, macrogametos y finalmente, un nuevo ooquiste (2), el cual al ser eliminado por las heces del hospedero (3) puede infectar nuevas fuentes hídricas y alimentos, propagando así la infección de *C. parvum*.



Fuente: Autor

En el campo veterinario, la criptosporidiosis induce diarrea acuosa profusa y deshidratación, asociada con altas tasas de morbimortalidad, incremento en el costo de atención médica veterinaria e importantes pérdidas económicas (14–16), con lo cual se afecta en gran medida el desarrollo del sector agropecuario.

En los pacientes inmunocomprometidos se ha reportado diarrea persistente y una mortalidad 2 a 3 veces mayor en comparación a la población general (17). Debido a la capacidad para contaminar ambientes por la eliminación de ooquistes a través de las heces y al acúmulo de los mismos en las fuentes hídricas; esto sumado a la resistencia frente a la desinfección estándar con cloro, *Cryptosporidium parvum* es considerado un problema de salud pública (18).

La prevalencia de *Cryptosporidium parvum* entre los niños con diarrea, en países en vías de desarrollo como Brasil, Colombia, Venezuela, Indonesia, Tailandia, Sudáfrica, Ghana y la India, varía entre el 3% y el 37%; por el contrario, en las partes desarrolladas del mundo como Gran Bretaña, Estados Unidos, Canadá, Australia y Dinamarca, representa solo el 1-4% de la diarrea infantil (19).

Entre las diversas infecciones oportunistas, *Cryptosporidium parvum* es uno de los agentes comunes para los individuos infectados por el VIH. La criptosporidiosis sintomática es más común en aque-

llos pacientes con recuento linfocitos T CD4 <200 células / mm³ (20–22). Su prevalencia en estos pacientes en América del Norte varía entre el 3,5% y 11,9%, mientras que en América del Sur es del 4% al 22,8% (19).

A pesar de los recientes avances para el manejo de infecciones de interés médico, no existe una terapia efectiva para el control de *Cryptosporidium spp.* en población vulnerable (23), por lo cual, esta infección puede ocasionar complicaciones médicas dadas por la deshidratación, alteración del estado de conciencia, retraso en el desarrollo global y, en algunos casos, la muerte del paciente (24,25). Teniendo en cuenta la problemática que representa la propagación de *C. parvum* para la salud humana y animal, diferentes candidatos a vacuna han sido estudiados con el fin de encontrar una solución profiláctica contra esta enfermedad. En términos generales, los candidatos a vacuna contra *C. parvum* reportados a la fecha se dividen en cinco categorías: 1. vacunas atenuadas; 2. vacunas recombinantes; 3. vacunas basadas en ADN; 4. antígenos expresados en vectores bacterianos, y 5. vacunas sintéticas. En el presente manuscrito se describen los estudios más representativos de los candidatos a vacuna que han tenido resultados prometedores y de los cuales derivan nuevos ensayos experimentales.

METODOLOGÍA

Se realizó una revisión exhaustiva de la literatura sobre los candidatos a vacuna contra *C. parvum*. La búsqueda se hizo a partir de fuentes secundarias de información, es decir, artículos y libros relacionados con esta patología, publicados en las bases de datos electrónicas como PubMed central, WEB OF SCIENCE, Embase, REDALYC y LILACS. Con base en los Medical Subject Headings (MeSH), se seleccionaron las palabras clave para la búsqueda en idiomas español e inglés, en combinación con *Cryptosporidium parvum*, Vaccines, Synthetic, Vaccines, DNA, Vaccines, Subunit, Vaccine, CP15 protein.

Fueron seleccionados todos los artículos en el idioma inglés y español, publicados entre 1999 y 2019, se escogieron 82 artículos por título y resumen, de estos se excluyeron 31 que presentaban artículo completo, pero no incluían en forma detallada los resultados de inmunogenicidad y/o protección final. En total, se analizaron 51 artículos que presentaban la información metodológica detallada para el desarrollo de los candidatos a vacuna descritos.

RESULTADOS

Con base a la búsqueda realizada, se presenta a continuación un análisis detallado del ciclo de vida de *C. parvum* y los grupos de candidatos

a vacuna más representativos contra esta enfermedad (Tabla 1).

Candidatos a vacunas contra *C. parvum* Vacunas atenuadas

Debido a la dificultad para propagar continuamente *C. parvum in vitro*, los intentos de atenuar el parásito han sido limitados. Un método que se ha utilizado es el tratamiento con irradiación gamma de ooquistes o esporozoítos (26,27).

Para evaluar la respuesta de inmunidad protectora contra la criptosporidiosis, ooquistes de la cepa de *Cryptosporidium parvum* Iowa se expusieron a varios niveles de irradiación gamma (350-500 Gy) y se inocularon en terneros de un día de edad, en los cuales se examinaron diariamente los signos clínicos y paraclínicos de la enfermedad. Las dosis más altas de irradiación (450 o 500 Gy) impidieron el desarrollo de ooquistes, pero las terneras permanecieron susceptibles a la infección por *C. parvum*. Los ooquistes de *Cryptosporidium parvum* expuestos a 400 Gy fueron incapaces de cualquier desarrollo medible, pero conservaron la capacidad de provocar una respuesta protectora contra la exposición a este parásito. Estos hallazgos indican que puede ser posible proteger a los terneros contra la criptosporidiosis mediante inoculación con ooquistes de *C. parvum* expuestos a una irradiación gamma de 400 Gy (28).

Tabla 1. Resumen de resultados de los principales candidatos a vacuna contra *C. parvum*.

Candidato a vacuna	Tipo de vacuna	Antígeno	Vía de administración /Dosis	Participantes	Principales resultados	Ref.
Ooquistes de <i>C. parvum</i> Gamma-Irradiated	Vacuna atenuada	Ooquistes de <i>C. parvum</i> irradiados	Oral	8 terneros menores de 30 días de edad	La administración de ooquistes de <i>C. parvum</i> expuestos a irradiación gamma > 450 Gy previene la invasión del parásito.	28
Cp12 / Cp21	Vacuna basada en ADN	Antígeno de esporozoito de <i>C. parvum</i> de 12 y 21 kDa (cp11 y Cp21)	-Intra-muscular -Intra-nasal (100 µg/ 3 dosis)	200 ratones BALB / c de 5-7 semanas de edad	La inmunización intra-nasal de las proteínas Cp12-Cp21 en ratones redujo en 77.5% la generación de nuevos ooquistes de <i>C. parvum</i> .	31
CP15-ADN	Vacuna basada en ADN	Antígeno de esporozoito de <i>C. parvum</i> de 15 kDa	Intra-nasal (50 µg/ 3 dosis)	5 ratones BALB / c hembra de 8 semanas de edad	El ADN plasmídico puede proporcionar alta respuesta humoral (títulos de anticuerpos IgG: 1600) y celular a las infecciones por <i>C. parvum</i> en mamíferos.	33
Cp23	Vacuna basada en ADN	Antígeno de esporozoito de <i>C. parvum</i> de 23 kDa	Subcutánea (100 µg/ 3 dosis)	20 ratones hembra de 6-8 semanas de edad	La vacunación con ADN de Cp23 indujo una reducción del 50-60% en el desprendimiento de oocistos, lo que indica una protección parcial contra la infección por <i>C. parvum</i> .	35
Salmonella typhimurium atenuada que codifica los antígenos Cp23 y Cp40	Vacuna que usa vectores de bacterias atenuadas	Antígeno de esporozoito de <i>C. parvum</i> de 23 kDa (cp23) y 40 KDa (Cp40)	100 µg por vía subcutánea/ 2 dosis, seguido por inmunización oral con Salmonella.	16 ratones C57BL / 6 de 6-8 semanas de edad	La inoculación oral con <i>S. Typhimurium</i> SL3261 recombinante puede inducir alta respuesta de anticuerpos específicos al antígeno Cp23 o Cp40 de <i>C. parvum</i> en ratones. 30% de anticuerpos IgA contra Cp23 detectados en suero y mucosa (heces).	40

Candidato a vacuna	Tipo de vacuna	Antígeno	Vía de administración /Dosis	Participantes	Principales resultados	Ref.
C. parvum p23 recombinante	Vacuna recombinante	Antígeno de esporozoito de <i>C. parvum</i> de 23 kDa (cp23) expresado en <i>E. coli</i>	Subcutánea (120 µg/ 2 dosis)	20 cabras	P23 es un antígeno importante que estimula las respuestas inmunitarias del huésped, principalmente en la producción de anticuerpos específicos bajo infección natural.	48

Fuente: Autor

Vacunas basadas en ADN

Los métodos basados en ADN implican la administración de un plásmido que codifica un antígeno particular. El plásmido es absorbido por las células huésped y el antígeno se expresa y se expone al sistema inmune. Varios estudios recientes han evaluado las vacunas basadas en ADN para las proteínas de *Cryptosporidium parvum* 2 (P2), *C. parvum* 12 (Cp12), *C. parvum* 15/60 (Cp15 / 60), *C. parvum* 23 (Cp23) y *C. parvum* 21 (Cp21), sin embargo, CP15 ha sido la más estudiada por diferentes autores (29–32).

La primera vacuna de ADN reportada codifica un antígeno de esporozoito de *C. parvum* de 15 kDa (CP15-ADN), clonado en el plásmido pcDNA3se. A partir de esta vacuna, un grupo de ratones BALB/c de ocho semanas de edad fue inmunizado por vía intranasal, con lo cual se produjo una respuesta específica y duradera de IgA anti-CP15 en las secreciones intestinales y de IgG específica en suero, 3 meses y 1 año después de la primera

inoculación de ADN. Los ratones inmunizados con ADN de CP15 también desarrollaron una respuesta proliferativa de linfocitos T específicos de antígeno, tanto en el bazo como en los ganglios linfáticos mesentéricos. Estos resultados indican que el ADN plasmídico puede proporcionar un medio poderoso para provocar respuestas humorales y celulares intestinales a las infecciones por *C. parvum* en mamíferos (33).

En otro ensayo, para estudiar las respuestas inmunitarias humorales y celulares inducidas por la proteína de esporozoito de *C. parvum* CP15 / 60, se inyectó por vía intramuscular el plásmido recombinante que contiene el gen CP15 / 60 en ratones BALB/c. Las respuestas inmunes humorales y celulares se detectaron en diferentes momentos después de la inmunización. Los resultados experimentales han demostrado que el plásmido recombinante puede inducir respuestas inmunitarias específicas y, por lo tanto, proteger a los ratones del reto con los ooquistes, lo que sugiere que el plásmido recombinante podría ser

un candidato potencial de la vacuna de ADN (34). Por otra parte, la administración de una vacuna de ADN que codifica *C. parvum* Cp15 y Cp23 dio como resultado la inducción de respuestas inmunitarias Th1, así como una mayor resistencia a la infección (29). La eficacia de las vacunas de ADN también se ha demostrado mediante la generación de respuestas inmunitarias específicas de Cp23: los ratones inmunizados con ADN de Cp23 desarrollaron protección parcial contra la infección por *C. parvum*, como lo demuestra la reducción > 60% en la eliminación de ooquistes después del reto (35).

Más recientemente, un estudio evaluó a la proteína ácida ribosomal P2 (CpP2) de *C. parvum* como potencial candidato a vacuna, a partir de la inmunización subcutánea en el oído de ratones con el ADN que codifica para esta proteína, clonado en el vector pUMVC4b. Se concluyó que el antígeno CpP2 es capaz de proporcionar un medio eficaz para provocar respuestas humorales y celulares y tiene el potencial de generar inmunidad protectora contra la infección por *C. parvum*, pero puede requerir el uso de vectores o adyuvantes alternativos para producir una respuesta más potente y equilibrada (36–38).

Uso de vectores de bacterias atenuadas

Los vectores bacterianos son muy prometedores para la administración del antígeno de una

vacuna, ya que pueden provocar respuestas inmunitarias protectoras contra patógenos bacterianos, virales y protozoarios en ratones y humanos (39).

La cepa SL3261 de la vacuna de *Salmonella enterica* serovar *Typhimurium* atenuada se utilizó, por primera vez, como un sistema de administración de antígenos para la inmunización oral de ratones contra dos antígenos de *C. parvum*, Cp23 y Cp40, subclonados en el sistema vectorial pTECH1. Los ratones se inocularon por vía oral con una dosis única de SL3261 / pTECH-Cp23 o Cp40, respectivamente; de esta forma, se demostró la estabilidad del plásmido tanto *in vitro* como *in vivo*. Se detectaron anticuerpos específicos de inmunoglobulina G (IgG) en suero contra el antígeno Cp23 o Cp40 35 días después de la inmunización, además, se detectaron anticuerpos IgA en suero y IgA en la mucosa (heces) en el 30% de los ratones inmunizados con Cp23. Se demostró que una sola inoculación oral con *S. typhimurium* SL3261 recombinante puede inducir respuestas de anticuerpos específicos contra el antígeno Cp23 o Cp40 de *C. parvum* en ratones, lo que sugiere que la *Salmonella* recombinante es un sistema de administración factible para una vacuna contra la infección por *C. parvum* (40).

En otro estudio, se administraron 2 antígenos en ratones, Cp15 y profilina de *Cryptosporidium*, en un régimen heterólogo de refuerzo primario

como fusiones con citolisina A (ClyA) en un vector de vacuna viva de *Salmonella*; a partir de allí, se encontró que estos antígenos fueron potentes en la inducción de respuestas inmunes humorales y celulares (41).

Otro sistema de vectores utilizado para la entrega del antígeno *Cryptosporidium* spp. es *Toxoplasma gondii* (42). La inmunización de ratones con *T. gondii* que expresa el antígeno *C. parvum* P23 dio como resultado altos niveles de IgG en suero, predominantemente IgG1, que es característica de una respuesta inmune TH2 (43,44). En otro estudio, *Lactobacillus casei* se utilizó para administrar *C. parvum* P23 a ratones y generó niveles aumentados de interferón gamma (IFN γ), interleucina 6 (IL-6), inmunoglobulina G (IgG) en suero e inmunoglobulina A (IgA) fecal (45,46).

Vacunas recombinantes

En un estudio reciente se realizó la clonación y expresión del gen gp40 / 15 de *C. parvum* para proporcionar proteínas recombinantes expresadas en *Escherichia coli*. La secuencia del gen gp40 / 15 se extrajo del GenBank y se clonó en el Plásmido PET28a +. Como resultado, la reacción en cadena de polimerasa (PCR) de colonia y los métodos de digestión enzimática mostraron un fragmento de 921 pb. Se realizaron titulaciones de los anticuerpos en suero, obtenidos de ratones inmunizados con esta proteína recombinante, los cuales

fueron significativamente más altos ($P < 0,0001$) que los del grupo control, además, la titulación de anticuerpos en el grupo de estudio con cuatro inyecciones fue significativamente mayor que la de las tres inyecciones ($P < 0.05$). Por lo anterior, se considera el potencial uso de esta proteína en el desarrollo de vacunas recombinantes y kits de diagnóstico contra *C. parvum* (47).

En otro ensayo, se aislaron ooquistes de *Cryptosporidium* de terneros infectados naturalmente; para este caso, los ooquistes se purificaron y caracterizaron como *C. parvum* por PCR anidada; adicionalmente, para obtener la proteína P23 recombinante, se aisló el ARNm de las muestras obtenidas y sintetizó el ADNc. Como resultado, la secuenciación del producto de PCR presentó 100% de identidad con las secuencias P23 conocidas en GenBank; por otra parte, el ADNc de doble cadena P23 se clonó luego en el vector de expresión pGEX-5X-2 y se preparó la proteína recombinante P23. El análisis de transferencia mostró que P23 podría ser reconocido por el suero positivo de *C. parvum*; además, el suero de cabra inmunizada con la proteína P23 recombinante también reconoció una banda de proteína con aproximadamente 23 kDa en lisados preparados a partir de los ooquistes.

Dado que P23 es una glucoproteína de superficie inmunodominante expresada en la fase temprana de la infección, y los epítomos inmunogénicos

se encuentran en su cadena residual de secuencia de aminoácidos, la proteína recombinante P23 podría recomendarse como un candidato favorable para la vacunación contra la infección por *C. parvum* (48).

Por otra parte, los resultados de un análisis genómico comparativo indicaron que los genes que codifican dos proteasas similares a la insulina de *C. parvum* (INS19 e INS20), *cgd6_5510* y *cgd6_5520*, se pierden en muchas especies de *Cryptosporidium*. Estos genes fueron expresados de forma recombinante en *Escherichia coli* para la preparación de antisuero. Una proteína de ~ 180 kDa de INS20-19 fue específicamente reconocida por el antisuero policlonal anti-INS19 en lisado de esporozoítos; asimismo, se observó que INS20-19 es probablemente una proteína con alta expresión en la región apical de los esporozoítos y la neutralización de la proteína condujo a una reducción parcial de la carga de parásitos en cultivos de células HCT-8 y MDBK a las 24 h. Tomados en conjunto, estos hallazgos respaldan la participación de INS20-19 en la invasión o el proceso de desarrollo temprano de *C. parvum* (49).

Vacunas sintéticas

Para evaluar la respuesta inmune humoral inducida contra péptidos derivados de *Cryptosporidium parvum* CP15 (antígeno de superficie de esporozoito de 15 kDa) y proteínas CSL (antígeno

de tipo circumsporozoito), un estudio tuvo como objetivo realizar pruebas preliminares en ratones albinos suizos (ICR) inmunizados con péptidos de estas proteínas. Los péptidos se identificaron y caracterizaron utilizando herramientas bioinformáticas y se sintetizaron químicamente, además, se determinó la respuesta de anticuerpos y se midió el efecto neutralizante de los anticuerpos en cultivo celular; sin embargo, a pesar de que todos los péptidos estudiados fueron capaces de estimular la producción de anticuerpos, se detectaron anticuerpos neutralizantes derivados de CP15. Por lo tanto, se recomiendan estudios adicionales destinados a evaluar aún más el potencial de los péptidos como candidatos a vacunas (50).

CONCLUSIONES

Dado que las opciones de tratamiento farmacológico son limitadas para la criptosporidiosis, y pueden no ser tan efectivas para individuos inmunodeficientes, la investigación en vacunas continúa siendo el pilar científico para prevenir esta devastadora enfermedad.

Comprender en detalle las interacciones huésped-parásito y los elementos esenciales de la inmunidad de *Cryptosporidium spp.* puede conducir al desarrollo de inmunoterapias o vacunas efectivas. El aumento continuo en los datos de la secuencia del genoma de *C. parvum* podría facilitar la identificación y caracterización de posibles antígenos vacunales.

Una vacuna ideal contra *Cryptosporidium* debería proporcionar una respuesta inmunitaria rápida y duradera en todas las personas vacunadas, ser ampliamente protectora contra las especies y subtipos más comunes del organismo, prevenir la transmisión de enfermedades y ser fácilmente accesible, estable y económica.

Sin embargo, antes de que se pueda lograr el desarrollo de una vacuna hay que superar diferentes obstáculos científicos, logísticos y económicos asociados. Se requiere la selección de epítopes altamente inmunogénicos y de regiones conservadas del parásito que estén implicadas en los procesos de invasión a enterocitos. Así mismo, se requiere un mayor número de estudios *in vitro* e *in vivo* con distintos modelos animales (bovinos y ratones) que permitan obtener resultados fehacientes de seguridad y eficacia para el inicio de ensayos clínicos en humanos.

Por otra parte, sería interesante el análisis de una vacuna multiepítope, pues, aunque la mayoría de los estudios de vacunas se han centrado únicamente en antígenos del estadio esporozoíto de *C. parvum*, es probable que existan otros candidatos prometedores expresados en el estadio merozoíto que, al trabajarse en conjunto, sean capaces de bloquear el ciclo de vida del parásito en cualquiera de sus etapas.

Para identificar nuevos objetivos potenciales de vacuna, los investigadores deberían centrarse también en las formas de detectar proteínas necesarias para la infección y que puedan inducir respuestas inmunitarias protectoras mediadas por células. Es importante tener en cuenta que muchas de las proteínas implicadas en la unión e invasión de *C. parvum* sufren una modificación postraducciona extensa, particularmente la glicosilación. Estas modificaciones se pueden requerir para la función y el potencial inmunogénico de la proteína y, por lo tanto, es importante tenerlas en cuenta al diseñar un cribado de antígenos de *Cryptosporidium*.

Además, la selección de antígenos, en función de su capacidad para provocar una óptima respuesta inmune celular, debería ser un factor clave en la identificación de candidatos a vacunas. También, es probable que se necesite una vacuna que incorpore múltiples antígenos para asegurar una protección óptima.

Muchos avances nuevos en las técnicas de vacunación, como el uso de vacunas de ADN, vacunas sintéticas (basadas en mínimas subunidades) nuevos vectores que estimulan la inmunidad de la mucosa y el uso de oligonucleótidos como adyuvantes, también pueden facilitar el desarrollo de vacunas contra esta enfermedad.

Se espera que la incorporación de nuevas técnicas para la selección de antígenos promisorios y la ejecución de una gran cantidad de ensayos *in vivo*, favorezcan el desarrollo de una vacuna totalmente efectiva contra *C. parvum*. Aunque el camino para lograr este objetivo será largo y difícil, se convierte en la mejor alternativa para controlar una de las enfermedades de interés en salud pública con mayor impacto en la población inmunocomprometida.

LIMITACIONES

No hubo limitaciones.

CONFLICTOS DE INTERÉS

Los autores declaran no tener conflicto de interés.

FINANCIACIÓN

Los autores declaran financiación de la Universidad de Boyacá de los medios necesarios para llevar a cabo este artículo de revisión.

REFERENCIAS

1. Striepen B. Parasitic infections: Time to tackle cryptosporidiosis. *Nature*. 2013;503(7475):189–91. <https://doi.org/10.1038/503189a>
2. Korpe PS, Valencia C, Haque R, Mahfuz M, McGrath M, Houpt E, et al. Epidemiology and Risk Factors for Cryptosporidiosis in Children From 8 Low-income Sites: Results From the MAL-ED Study. *Clinical Infectious Diseases*. 2018;67:1660–9. <https://doi.org/10.1093/cid/ciy355>
3. Tomazic ML, Maidana J, Dominguez M, Uriarte EL, Galarza R, Garro C, et al. Molecular characterization of *Cryptosporidium* isolates from calves in Argentina. *Vet Parasitol*. 2013;198(3–4):382–6. <https://doi.org/10.1016/j.vetpar.2013.09.022>
4. Chalmers RM, Davies AP, Tyler K. *Cryptosporidium*. *Microbiology*. 2019;165(5):500–2. <https://doi.org/10.1099/mic.0.000764>
5. Abubakar I, Aliyu SH, Arumugam C, Usman NK, Hunter PR. Treatment of cryptosporidiosis in immunocompromised individuals: systematic review and meta-analysis. *Br J Clin Pharmacol*. 2007;63(4):387–93. <https://doi.org/10.1111/j.1365-2125.2007.02873.x>
6. Hossain MJ, Saha D, Antonio M, Nasrin D, Blackwelder WC, Ikumapayi UN, et al. *Cryptosporidium* infection in rural gambian children: Epidemiology and risk factors. *PLoS Negl Trop Dis*. 2019;13(7):e0007607. <https://dx.doi.org/10.1371/journal.pntd.0007607>

7. Leitch GJ, He Q. Cryptosporidiosis-an overview. *J Biomed Res.* 2012;25(1):1–16. [https://doi.org/10.1016/S1674-8301\(11\)60001-8](https://doi.org/10.1016/S1674-8301(11)60001-8)
8. Dumaine JE, Tandel J, Striepen B. *Cryptosporidium parvum*. *Trends in Parasitology.* 2019. <https://doi.org/10.1016/j.pt.2019.11.003>
9. Baldursson S, Karanis P. Waterborne transmission of protozoan parasites: review of worldwide outbreaks - an update 2004-2010. *Water Res.* 2011;45(20):6603–14. <https://doi.org/10.1016/j.watres.2011.10.013>
10. Gallas-Lindemann C, Sotiriadou I, Plutzer J, Noack MJ, Mahmoudi MR, Karanis P. *Giardia* and *Cryptosporidium* spp. dissemination during wastewater treatment and comparative detection via immunofluorescence assay (IFA), nested polymerase chain reaction (nested PCR) and loop mediated isothermal amplification (LAMP). *Acta Trop.* 2016;158:43–51. <https://doi.org/10.1016/j.actatropica.2016.02.005>
11. Lippuner C, Ramakrishnan C, Basso WU, Schmid MW, Okoniewski M, Smith NC, et al. RNA-Seq analysis during the life cycle of *Cryptosporidium parvum* reveals significant differential gene expression between proliferating stages in the intestine and infectious sporozoites. *Int J Parasitol.* 2018;48(6):413–22. <https://doi.org/10.1016/j.ijpara.2017.10.007>
12. Carey CM, Lee H, Trevors JT. Biology, persistence and detection of *Cryptosporidium parvum* and *Cryptosporidium hominis* oocyst. *Water Res.* 2004;38(4):818–62. <https://doi.org/10.1016/j.watres.2003.10.012>
13. Borowski H, Thompson RCA, Armstrong T, Clode PL. Morphological characterization of *Cryptosporidium parvum* life-cycle stages in an in vitro model system. *Parasitology.* 2010;137(1):13–26. <https://doi.org/10.1017/S0031182009990837>
14. Pulido-Medellín MO, Andrade-Becerra RJ, Rodríguez-Vivas RI, Garcia-Corredor DJ. Prevalencia y posibles factores de riesgo en la excreción de ooquistes de *Cryptosporidium* spp en bovinos de Boyacá, Colombia. *Revista Mexicana de Ciencias Pecuarias.* 2015;5(3):357–64
15. Eze UU, Ezeh IO, Nzeakor TA, Attama SC, Ezenduka EV, Onah DN. Prevalence and risk factors associated with *Cryptosporidium* spp. infection in local breed of dogs in Enugu State, Nigeria. *Vet World.* 2019;12(5):729–34. <https://dx.doi.org/10.14202/vetworld.2019.729-734>

16. Hastutiek P, Yuniarti WM, Djaeri M, Lastuti NDR, Suprihati E, Suwanti LT. Prevalence and diversity of gastrointestinal protozoa in Madura cattle at Bangkalan Regency, East Java, Indonesia. *Vet World*. 2019;12(2):198–204. <https://dx.doi.org/10.14202/vetworld.2019.198-204>
17. Kotloff KL, Nataro JP, Blackwelder WC, Nasrin D, Farag TH, Panchalingam S, et al. Burden and aetiology of diarrhoeal disease in infants and young children in developing countries (the Global Enteric Multicenter Study, GEMS): a prospective, case-control study. *Lancet*. 2013;382(9888):209–22. [https://doi.org/10.1016/S0140-6736\(13\)60844-2](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(13)60844-2)
18. Rossle NF, Latif B. Cryptosporidiosis as threatening health problem: A review. *Asian Pacific Journal of Tropical Biomedicine*. 2013;3(11):916–24. [https://dx.doi.org/10.1016/S2221-1691\(13\)60179-3](https://dx.doi.org/10.1016/S2221-1691(13)60179-3)
19. Vanathy K, Parija SC, Mandal J, Hamide A, Krishnamurthy S. Cryptosporidiosis: A mini review. *Trop Parasitol*. 2017;7(2):72–80. https://doi.org/10.4103/tp.TP_25_17
20. Attili SVS, Gulati AK, Singh VP, Varma DV, Rai M, Sundar S. Diarrhea, CD4 counts and enteric infections in a hospital - based cohort of HIV-infected patients around Varanasi, India. *BMC Infect Dis*. 2006;6(39):1–8. <https://doi.org/10.1186/1471-2334-6-39>
21. Dwivedi KK, Prasad G, Saini S, Mahajan S, Lal S, Baveja UK. Enteric opportunistic parasites among HIV infected individuals: associated risk factors and immune status. *Jpn J Infect Dis*. 2007;60(2–3):76–81
22. Muthusamy D, Rao SS, Ramani S, Monica B, Banerjee I, Abraham OC, et al. Multilocus genotyping of *Cryptosporidium* sp. isolates from human immunodeficiency virus-infected individuals in South India. *J Clin Microbiol*. 2006;44(2):632–4. <https://doi.org/10.1128/JCM.44.2.632-634.2006>
23. Chavez MA, White AC. Novel treatment strategies and drugs in development for cryptosporidiosis. *Expert Rev Anti Infect Ther*. 2018;16(8):655–61. <https://doi.org/10.1080/14787210.2018.1500457>
24. Tzipori S, Widmer G. A hundred-year retrospective on cryptosporidiosis. *Trends Parasitol*. 2008;24(4):184–9. <https://dx.doi.org/10.1016/j.pt.2008.01.002>
25. Darlan DM, Rozi MF, Andriyani Y, Yulfi H, Saragih RH, Nerdy N. *Cryptosporidium* Sp. Findings and Its Symptomatology among Immunocompromised Patients. *Open Access Maced J Med Sci*. 2019;7(10):1567–71. <https://doi.org/10.3889/oamjms.2019.329>

26. Ehigiator HN, Mcnair N, Mead JR. IL-12 Knockout C57BL/6 Mice are Protected from Re-infection with *Cryptosporidium parvum* after Challenge. *J Eukaryot Microbiol.* 2003;50(s1):539–41. <https://doi.org/10.1111/j.1550-7408.2003.tb00622.x>
27. Yu JR, Park WY. The effect of gamma-irradiation on the viability of *Cryptosporidium parvum*. *J Parasitol.* 2003;89(3):639–42. [https://doi.org/10.1645/0022-3395\(2003\)089\[0639:TEOIoT\]2.0.CO;2](https://doi.org/10.1645/0022-3395(2003)089[0639:TEOIoT]2.0.CO;2)
28. Jenkins M, Higgins J, Kniel K, Trout J, Fayer R. Protection of calves against cryptosporidiosis by oral inoculation with gamma-irradiated *Cryptosporidium parvum* oocysts. *J Parasitol.* 2004;90(5):1178–80. <https://doi.org/10.1645/GE-3333RN>
29. Wang C, Luo J, Amer S, Guo Y, Hu Y, Lu Y, et al. Multivalent DNA vaccine induces protective immune responses and enhanced resistance against *Cryptosporidium parvum* infection. *Vaccine.* 2010;29(2):323–8. <https://doi.org/10.1016/j.vaccine.2010.10.034>
30. Zheng J, Ren W, Pan Q, Wang Q, elhag IAE, Li J, et al. A recombinant DNA vaccine encoding *C. andersoni* oocyst wall protein induces immunity against experimental *C. parvum* infection. *Vet Parasitol.* 2011;179(1–3):7–13. <https://doi.org/10.1016/j.vetpar.2011.02.016>
31. Yu Q, Li J, Zhang X, Gong P, Zhang G, Li S, et al. Induction of immune responses in mice by a DNA vaccine encoding *Cryptosporidium parvum* Cp12 and Cp21 and its effect against homologous oocyst challenge. *Vet Parasitol.* 2010;172(1–2):1–7. <https://doi.org/10.1016/j.vetpar.2010.04.036>
32. Liu K, Zai D, Zhang D, Wei Q, Han G, Gao H, et al. Divalent Cp15-23 vaccine enhances immune responses and protection against *Cryptosporidium parvum* infection. *Parasite Immunology.* 2010;32(5):335–44. <https://doi.org/10.1111/j.1365-3024.2009.01191.x>
33. Sagodira S, lochmann S, Mevelec MN, Dimier-Poisson I, Bout D. Nasal immunization of mice with *Cryptosporidium parvum* DNA induces systemic and intestinal immune responses. *Parasite Immunol.* 1999;21(10):507–16. <https://doi.org/10.1046/j.1365-3024.1999.00247.x>
34. He H, Zhao B, Liu L, Zhou K, Qin X, Zhang Q, et al. The Humoral and Cellular Immune Responses in Mice Induced by DNA Vaccine Expressing the Sporozoite Surface Protein of *Cryptosporidium parvum*. *DNA Cell Biol.* 2004;23(5):335–9. <https://doi.org/10.1089/104454904323090967>
35. Ehigiator HN, Romagnoli P, Priest JW, Secor WE, Mead JR. Induction of murine immune

- responses by DNA encoding a 23-kDa antigen of *Cryptosporidium parvum*. *Parasitol Res.* 2007;101(4):943–50. <https://doi.org/10.1007/s00436-007-0565-0>
36. Benítez A, Priest JW, Ehigiator HN, McNair N, Mead JR. Evaluation of DNA encoding acidic ribosomal protein P2 of *Cryptosporidium parvum* as a potential vaccine candidate for cryptosporidiosis. *Vaccine.* 2011;29(49):9239–45. <https://doi.org/10.1016/j.vaccine.2011.09.094>
 37. Khan KH. DNA vaccines: roles against diseases. *GERMS.* 2013;3(1):26–35. <https://dx.doi.org/10.11599/germs.2013.1034>
 38. Ludington JG, Ward HD. Systemic and Mucosal Immune Responses to *Cryptosporidium*—Vaccine Development. *Curr Trop Med Rep.* 2015;2(3):171–80. <https://dx.doi.org/10.1007/s40475-015-0054-y>
 39. Carleton HA. Pathogenic bacteria as vaccine vectors: teaching old bugs new tricks. *Yale J Biol Med.* 2010;83(4):217–22.
 40. Benítez AJ, McNair N, Mead JR. Oral immunization with attenuated *Salmonella enterica* serovar Typhimurium encoding *Cryptosporidium parvum* Cp23 and Cp40 antigens induces a specific immune response in mice. *Clin Vaccine Immunol.* 2009;16(9):1272–8. <https://doi.org/10.1128/CVI.00089-09>
 41. Manque PA, Tenjo F, Woehlbier U, Lara AM, Serrano MG, Xu P, et al. Identification and Immunological Characterization of Three Potential Vaccinogens against *Cryptosporidium* Species. *Clin Vaccine Immunol.* 2011;18(11):1796–802. <https://doi.org/10.1128/CVI.05197-11>
 42. Shirafuji H, Xuan X, Kimata I, Takashima Y, Fukumoto S, Otsuka H, et al. Expression of P23 of *Cryptosporidium parvum* in *Toxoplasma gondii* and Evaluation of its Protective Effects. *Journal of Parasitology.* 2005;91(2):476–9. <https://doi.org/10.1645/GE-364R1>
 43. Stevens TL, Bossie A, Sanders VM, Fernandez-Botran R, Coffman RL, Mosmann TR, et al. Regulation of antibody isotype secretion by subsets of antigen-specific helper T cells. *Nature.* 1988;334(6179):255–8. <https://doi.org/10.1038/334255a0>
 44. Lemieux M, Sonzogni-Desautels K, Ndao M. Lessons Learned from Protective Immune Responses to Optimize Vaccines against *Cryptosporidiosis*. *Pathogens.* 2017;7(1):2. <https://dx.doi.org/10.3390/pathogens7010002>

45. Geriletu, Xu R, Jia H, Terkawi MA, Xuan X, Zhang H. Immunogenicity of Orally Administrated Recombinant *Lactobacillus casei* Zhang Expressing *Cryptosporidium parvum* Surface Adhesion Protein P23 in Mice. *Curr Microbiol.* 2011;62(5):1573–80. <https://doi.org/10.1007/s00284-011-9894-4>
46. Kwok LY, Wang L, Zhang J, Guo Z, Zhang H. A pilot study on the effect of *Lactobacillus casei* Zhang on intestinal microbiota parameters in Chinese subjects of different age. *Benef Microbes.* 2014;5(3):295–304. <https://doi.org/10.3920/BM2013.0047>
47. Sobati H, Jasor-Gharebagh H, Honari H. Expression and Purification of gp40/15 Antigen of *Cryptosporidium parvum* Parasite in *Escherichia coli*: an Innovative Approach in Vaccine Production. *Iranian Red Crescent Medical Journal.* 2017;19(4). <http://dx.doi.org/10.5812/ircmj.43040>
48. Ebrahimzadeh E, Shayan P, Mokhber Dezfouli M, Rahbari S. Recombinant *Cryptosporidium parvum* p23 as Candidate Vaccine for Cryptosporidiosis. *Iranian Journal of Parasitology.* 2009;4:1–7.
49. Zhang S, Wang Y, Wu H, Li N, Jiang J, Guo Y, et al. Characterization of a Species-Specific Insulinase-Like Protease in *Cryptosporidium parvum*. *Front Microbiol* 2019;10. <https://dx.doi.org/10.3389/fmicb.2019.00354>
50. Avendaño C, Jenkins M, Méndez-Callejas G, Oviedo J, Guzmán F, Patarroyo MA, et al. *Cryptosporidium* spp. CP15 and CSL protein-derived synthetic peptides' immunogenicity and in vitro seroneutralisation capability. *Vaccine.* 2018;36(45):6703–10. <https://doi.org/10.1016/j.vaccine.2018.09.044>



Esta obra está bajo una licencia de Creative Commons Reconocimiento-NoComercial 4.0 Internacional